

File Contents

This file contains OLS regression GWAS summary statistics from Hillary *et al.* (2020) for 70 Olink®inflammation proteins.

1) 4E_BP1	25) CXCL5	49) MCP_4
2) ADA	26) CXCL6	50) MMP_1
3) AXIN1	27) CXCL9	51) MMP_10
4) Beta_NGF	28) DNER	52) NT_3
5) CASP_8	29) EN_RAGE	53) OPG
6) CCL11	30) FGF_19	54) OSM
7) CCL19	31) FGF_21	55) PD_L1
8) CCL20	32) FGF_23	56) SCF
9) CCL23	33) FGF_5	57) SIRT2
10) CCL25	34) Flt3L	58) SLAMF1
11) CCL28	35) HGF	59) ST1A1
12) CCL3	36) IL10	60) STAMBP
13) CCL4	37) IL_10RB	61) TGF_alpha
14) CD244	38) IL_12B	62) LAP_TGF_beta_1
15) CD40	39) IL_15RA	63) TNFB
16) CD5	40) IL_18	64) TNFRSF9
17) CD6	41) IL_18R1	65) TNFSF14
18) CDCP1	42) IL6	66) TRAIL
19) CSF_1	43) IL7	67) TRANCE
20) CST5	44) IL8	68) TWEAK
21) CX3CL1	45) LIF_R	69) uPA
22) CXCL1	46) MCP_1	70) VEGFA
23) CXCL10	47) MCP_2	
24) CXCL11	48) MCP_3	

Column Headers

marker: SNP rsID

CHR: chromosome number

position: base-pair position (GRCh37).

effect_allele: Effect Allele

other_allele: Other Allele

beta: Standardised beta coefficient

stderr: Standard Error

p: P Value

n: Sample Size

Comma-separated file

Restrictions on Identifiable Information

To limit the possibilities of identification, significant digits for regression coefficients and standard errors are limited to five decimal points. Furthermore, no sample allele frequencies are provided.